

# NGScloud (Bioinformatic system for RNA-seq analysis of non-model species using cloud computing)

## Información de contacto

### Dirección: Investigadores principales:

- UNAI LOPEZ DE HEREDIA LARREA

[unai.lopezdeheredia@upm.es](mailto:unai.lopezdeheredia@upm.es)

- FERNANDO MORA MARQUEZ

[fernando.mora.marquez@alumnos.upm.es](mailto:fernando.mora.marquez@alumnos.upm.es)

### Otros autores:

- José LuisVázquez Poletti Universidad Complutense de Madrid (UCM)

## Tipo de oferta tecnológica

Software

## Áreas de investigación e innovación

- Bioeconomía, Biotecnología y Sistemas Alimentarios
- Tecnologías digitales, Inteligencia Artificial, ciberseguridad, 5G, robótica

## ¿Dónde?

Centro de I+D+i para la Conservación de la Biodiversidad y el Desarrollo Sostenible (CBDS)

## Descripción del software

NGScloud es un sistema bioinformático desarrollado para analizar datos de RNA-seq utilizando los servicios de computación cloud de Amazon, que permiten el acceso a infraestructura computacional ad hoc, escalable de acuerdo con la complejidad del experimento, de manera que los costes pueden ser optimizados. La aplicación proporciona una interfaz amigable para el usuario para realizar las operaciones en el hardware de Amazon y para controlar los flujos de trabajo en experimentos de RNA-seq orientados a especies no modelo. NGScloud incorpora el concepto de cluster, que permite realizar ejecuciones simultáneas de programas de uso común en RNA-seq en varias máquinas virtuales para reducir los tiempos de análisis.

## Referencia

M-007268/2018